

## <<DNA鉴定前沿>>

### 图书基本信息

书名：<<DNA鉴定前沿>>

13位ISBN编号：9787030318466

10位ISBN编号：7030318463

出版时间：2011-8

出版时间：科学出版社

作者：李成涛，赵书民，柳燕 编著

页数：343

字数：533000

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

## <<DNA鉴定前沿>>

### 内容概要

李成涛编著的《DNA鉴定前沿》是一本专门介绍DNA鉴定技术前沿的专著。全书分为5部分。

第一部分为绪论，详细介绍了DNA鉴定的发展历程、基因、遗传信息和遗传标记的现代概念。

第二部分为DNA鉴定传统遗传标记的发展动态和研究进展，包括短串联重复序列、单核苷酸多态性，以及其他二等位基因遗传标记、线粒体DNA等。

第三部分为DNA鉴定新型遗传标记的最新研究成果，包括表观遗传标记、拷贝数变异及RNA分子等。

第四部分为血缘关系判定，介绍了依据STR分型结果进行各类血缘关系鉴定的方法，包括统计学基础、亲权分析、各种亲权评估参数的计算、复杂的隔代亲权鉴定，以及突变时亲权指数的计算方法和亲权评价，特别对亲权鉴定结果的判断标准进行了系统探讨。

第五部分为DNA鉴定技术的新应用，如

DNA鉴定技术在法医植物学、法医昆虫学和法医微生物学中的应用。

书的最后还收集了国内外的一些经典案例。

全书参考了大量的国内外文献，内容丰富，对DNA鉴定的理论研究和实践有较强的指导作用。

《DNA鉴定前沿》可作为DNA鉴定工作者、科研工作者及高校教师、研究生、本科生的参考用书。

## &lt;&lt;DNA鉴定前沿&gt;&gt;

## 书籍目录

序

前言

绪论

第一节 法医遗传学的发展

第二节 基因的现代概念

第三节 遗传信息的现代概念

第四节 遗传标记的现代概念

参考文献

第一篇 遗传标记与分型技术

第一章 STR遗传标记在DNA鉴定中的应用现状与新进展

第一节 STR基因座及商业化分型试剂盒的历史回顾

第二节 常用STR基因座的生物信息学分析

第三节 常用STR基因座在中国人群中的基因频率及法医学参数

第四节 常用STR基因座的突变率分析

第五节 STR分型技术

第六节 STR基因座研究的新进展

参考文献

第二章 单核苷酸多态性在DNA鉴定中的应用现状与新进展

第一节 SNP在法医学中的应用前景

第二节 SNP分型方法和技术

第三节 SNP在法医学中应用的思考

参考文献

第三章 其他二等位基因遗传标记在法医学中的应用

第一节 Alu插入多态性遗传标记在法医学中的应用

第二节 插入缺失多态性遗传标记在法医学中的应用

参考文献

第四章 线粒体DNA在法医学中的应用

第一节 线粒体的分子遗传学

第二节 线粒体DNA在法医学中的应用进展

第三节 线粒体DNA在人类起源和进化研究中的应用

第四节 线粒体DNA的异质性

参考文献

第二篇 DNA鉴定中的新型遗传标记

第五章 表观遗传标记在法医学中的应用

第一节 表观遗传学的发展

第二节 表观遗传现象

第三节 表观遗传学与遗传学的关系

第四节 表观遗传学对医学的影响

第五节 表观遗传学在法医学中的应用

第六节 DNA甲基化在法医学中的应用前景及其检测方法新进展

参考文献

第六章 拷贝数变异研究新进展

第一节 拷贝数变异的概念与发展

第二节 拷贝数变异的研究进展

第三节 拷贝数变异在法医学中的应用前景

## <<DNA鉴定前沿>>

### 参考文献

#### 第七章 I洲A分子在法医学中的应用

##### 第一节 RNA的概念与功能

##### 第二节 RNA的分类与意义

##### 第三节 RNA在法医学中的应用研究

### 参考文献

#### 第三篇 血缘关系判定。

##### 第八章 统计学基础

##### 第一节 统计学中的几个基本概念

##### 第二节 常用的统计指标

##### 第三节 频率与概率

##### 第四节 几种常用的概率分布

##### 第五节 参数估计与假设检验

##### 第六节 条件概率与贝叶斯定理

#### 第九章 三联体和二联体亲权鉴定

##### 第一节 父权后概率和父权指数

##### 第二节 父权指数的计算公式及其简化运算

##### 第三节 三联体亲权鉴定中的父权认定与排除

##### 第四节 二联体亲权鉴定中的亲权认定与排除

### 参考文献

#### 第十章 其他类型血缘关系指数的计算与分布规律模拟研究

##### 第一节 ITO法计算其他血缘关系指数

##### 第二节 不同血缘关系指数计算公式的简化运算

##### 第三节 不同血缘关系指数的通用计算方法

##### 第四节 其他血缘关系指数分布规律的模拟研究

### 参考文献

#### 第十一章 基于常染色体STR进行全同胞关系判定的实验研究

##### 第一节 概述

##### 第二节 累积全同胞指数在全同胞对和无关个体对人群中的分布规律研究

##### 第三节 全同胞关系判定中的判别分析方法

##### 第四节 全同胞关系判定准则的比较

### 结语

### 参考文献

#### 第四篇 DNA鉴定中的其他问题

#### 第十二章 肿瘤组织身源鉴定新进展

##### 第一节 肿瘤组织身源鉴定现状

##### 第二节 常用STR基因座在消化系统肿瘤组织中的变异分析

##### 第三节 共有基因座数和共有等位基因数在肿瘤组织身源鉴定中的应用

##### 第四节 插入缺失多态性遗传标记在肿瘤组织身源鉴定中的应用

### 参考文献

#### 第十三章 甲醛固定石蜡包埋组织及H.E染色切片的DNA检测

##### 第一节 甲醛固定石蜡包埋组织及H.E染色切片的检验现状

##### 第二节 甲醛固定与石蜡包埋组织和H.E染色切片对DNA检测的影响

##### 第三节 甲醛固定和石蜡包埋组织及病理切片DNA提取

##### 第四节 DNA质量的测定：

##### 第五节 甲醛固定石蜡包埋组织及H.E染色切片DNA检测的最新技术进展

## <<DNA鉴定前沿>>

### 参考文献

#### 第十四章 非人类DNA在法医遗传学中的应用

##### 第一节 非人类DNA在案件侦破中的应用

##### 第二节 如何用动物DNA作为证据

### 参考文献

#### 第十五章 AFLP分子标记技术的新进展及其在法医植物学中的应用

##### 第一节 AFLP技术的新进展

##### 第二节 AFLP技术在法医植物学中的应用

### 参考文献

#### 第十六章 法医昆虫学研究新进展

##### 第一节 现代分子生物学技术在昆虫种类鉴定中的应用

##### 第二节 应用于昆虫种类鉴定的常用分子标记检测技术

##### 第三节 常见嗜尸性昆虫DNA提取方法及部位

##### 第四节 从取食人体组织的昆虫嗉囊内容物中检测人类遗传标记的应用

### 参考文献

#### 附录 法医DNA分析技术在经典案例中的应用

##### 案例1 法医DNA分析的首次应用

##### 案例2 DNA证据和莱温斯基的蓝裙子

##### 案例3 认真采集DNA证据的重要性：辛普森案

##### 案例4 天然的混合样本及嵌合个体

##### 案例5 预测生物样本的种族来源帮助犯罪调查

##### 案例6 成吉思汗的遗传遗产

##### 案例7 无名士兵墓中遗骸的个体识别

##### 案例8 俄国末代沙皇遗骸的识别

##### 案例9 DNA结果的重要性

##### 案例10 证实萨达姆·侯赛因的身份

## <<DNA鉴定前沿>>

### 编辑推荐

《DNA鉴定前沿》是一本专门介绍DNA鉴定技术前沿的专著。全书参考了大量的国内外文献，内容丰富，对DNA鉴定的理论研究和实践有较强的指导作用。本书可作为DNA鉴定工作者、科研工作者及高校教师、研究生、本科生的参考用书。

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>