

<<诊断病毒学>>

图书基本信息

书名：<<诊断病毒学>>

13位ISBN编号：9787117098489

10位ISBN编号：7117098481

出版时间：2008-3

出版时间：人民卫生出版社

作者：陈敬贤

页数：310

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

<<诊断病毒学>>

内容概要

病毒性传染病是当今人类感染性疾病中的主要疾病。最近资料显示,近30年来新发现的传染病中,已明确病原体的约有60%是由病毒引起的。而约50%的呼吸道疾病由病毒感染引起,其中典型的例子就是SARS冠状病毒和高致病性禽流感病毒。近年来在我国出现的AIDS和SARS流行,给临床医学和病毒学研究都提出了新的挑战。2003年以来从东南亚地区开始流行的高致病性禽流感病毒已经受到全世界关注。我国亦有大批家禽和少数个人受到感染,对人民生命健康和财产造成直接的威胁或损失。有很多病毒性疾病缺乏特征性的临床表现,特别是发病初期尤为如此,例如包括禽流感、SARS在内的不少突发性呼吸系统传染病,在临床上多以发热或重症肺炎的形式出现,发病快,病死率高。除了病毒本身具有的高致病性以外,诊断延误亦是重要原因之一。传染病的明确诊断依赖于病原学榆查,在当前,加强临床病毒诊断学的研究,已经是社会发展面临的一种迫切要求。

过去25年来,抗病毒药物的研发在抗AIDS需求的促进下,得到了迅速发展,特别是针对流感和副流感病毒、单纯疱疹病毒,巨细胞病毒、水痘带状疱疹病毒、肝炎病毒、艾滋病病毒等常见病毒,已经有了一批疗效明确的特异性化学药物与免疫药物。由于大多数抗病毒药物价格比较昂贵,为了合理利用这些资源,降低病人的医疗开支,也需要学习与推广病毒学实验诊断技术。

诊断病毒学涉及传染病学、病毒学、细胞生物学、分子生物学、免疫学、病理学等多学科的知识与技术,我们应该尊重一门学科的科学基础。

并且向其他的检验医学一样,在临床实践中从一开始就注重抓好严格的质量控制,使之能真正地为广大病人服务,为病毒性传染病的监测、预防、控制、治疗服务。

<<诊断病毒学>>

书籍目录

第一章 病毒的一般特征第二章 病毒分类学的进展第三章 引起人类疾病的病毒第四章 实验室设计与设备第五章 实验室安全注意事项第六章 病毒感染的实验室诊断第七章 实时定量PCR在临床病毒检测中的应用第八章 一般方法学第九章 哺乳动物细胞的培养第十章 支原体污染的根除第十一章 标本采集与处理第十二章 抗病毒药物治疗第十三章 流感病毒第十四章 副流感病毒第十五章 呼吸道合胞病毒第十六章 人偏肺病毒第十七章 腺病毒第十八章 麻疹病毒第十九章 风疹病毒第二十章 腮腺炎病毒第二十一章 鼻病毒第二十二章 冠状病毒第二十三章 肠道病毒第二十四章 甲型肝炎病毒第二十五章 乙型肝炎病毒第二十六章 轮状病毒第二十七章 单纯疱疹病毒第二十八章 巨细胞病毒第二十九章 水痘-带状疱疹病毒第三十章 EB病毒第三十一章 人疱疹病毒6型与7型第三十二章 逆转录病毒第三十三章 人乳头瘤病毒第三十四章 人细小病毒B19第三十五章 多瘤病毒附录A 与临床病毒培养有关的细胞或细胞株附录B 溶液的配制附录C 病毒滴定方法

<<诊断病毒学>>

章节摘录

第二章 病毒分类学的进展 1.简介 与生物学中其他的领域相比,病毒学的分类还是一个比较年轻的领域,而且仍在不断的变化之中。

生物界普遍采用瑞典著名科学家林奈(Linnaean)提出的将生物分为界(domain)、门(derision)、纲(class)、目(order)、科(family)、属(genus)、种(species),但是这在病毒学中难以完全照搬。

加上许多病毒正处于不断的进化(evolving)之中,有关它们从分子到临床的许多信息几乎每天都会产生,不断要求对现有的分类学作出修正。

与新发现的疾病相关的病毒核酸(DNA或RNA)序列正以前所未有的高速度发表,反映了病毒的进化正随着遗传物质的水平转移、同源重组等过程而加速。

事实上,在所有的生物中,病毒的核酸序列具有最明显的多样化和某些罕见的特征,其基因组可能反映了一个已经失去的远古时代生命树的影子(shadow)。

另外,从致病性病毒到存在于其他生物(从细菌到庞大的动物)的无害病毒,其数量是极其巨大的。随着现代检测手段敏感性和特异性的提升,随着人类对生物学各领域的研究不断推进,人们所认识的病毒数量还在不断地扩大。

目前,国际病毒分类委员会(ICTV)认可的病毒大约有2000种,其中能使人 and 动物致病的有650种左右。

但是全球生物界各领域的病毒学家正在研究或追踪的病毒达到4万种左右。

ICTV依病毒不同组成很多专门的研究小组,他们随时收集最新的研究信息,在合适的时候对该病毒的分类地位提出指导意见。

ICTV命名的主要目标是病,毒的种(species),而一个种下面可包括许多关系密切的病毒,它们的基因组可以完全相同,或有少许不同。

因此有的学者建议在种的下面,进一步区分为准种(quasispecies),但后者并无分类学上的地位。

ICTV于20世纪80年代开始应用电子数据来建立统一的病毒数据库,即IC~TVdB,后者于1993年开展在网上公开,2002年获得版权。

现在ICTVdB主要的功能有两个: 提供一个随时了解病毒命名动态(特别是种以上)的便捷渠道;

作为各分离株原始数据的储藏所,以促进相关的研究小组对病毒的命名作适当的修正。

ICTV现在采用一种近似于林奈氏的分类法,将病毒分为目、科、亚科、属和种,它们的词尾分别是H-virales, 种-viridae, 亚种-virinae, 属-virus。

过去10多年中,有增加的低程度分类数据(血清型、株)有巨大的包容性。

其中脊髓灰质炎病毒1、2、3,现在认为是血清型而不是种。

<<诊断病毒学>>

编辑推荐

为了在我国推广现代临床病毒诊断,《诊断病毒学》首先简要叙述了最新的病毒学基本知识,其次详尽介绍了现代国外病毒诊断常用方法的原理及其应用,然后再进一步逐个描述了当代对各常见病毒的生物学特性、流行病学、致病机理、实验诊断方法的主流知识。

在实验方法方面,侧重于病毒培养和分子诊断。

《诊断病毒学》具有内容新、实用性强、实验方法详尽、与国外现代技术接轨等特色。

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>