

<<生物信息学>>

图书基本信息

书名：<<生物信息学>>

13位ISBN编号：9787117129381

10位ISBN编号：7117129387

出版时间：2010-8

出版单位：人民卫生

作者：李霞

页数：478

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

<<生物信息学>>

内容概要

《生物信息学》是在国内资深生物学家与医学专家的倡导下，经全国高等医药教材建设研究会、卫生部教材办公室组织有关专家反复论证后决定组织编写的。

在教材的具体筹备和编写过程中，全国高等医药教材建设研究会、卫生部教材办公室先后组织三次会议进行研讨。

本书正是根据这些会议精神及专家的指导意见组织全国十余所大学的一线教师和学者共同努力编写而成的。

全书共分为三篇十六章。

第一篇生物信息学基础；第二篇功能基因组信息学；第三篇生物信息学与人类复杂疾病。

<<生物信息学>>

书籍目录

绪论 第一节 生物信息学的兴起 一、人类基因组计划 二、生物信息学与组学 第二节 生物信息学在生命科学中的地位及意义 一、生物信息学内涵 二、生物信息学在现代生物医学发展中起着重要作用

第一篇 生物信息学基础 第一章 DNA、RNA和蛋白质序列信息资源 第一节 引言 第二节 核酸序列数据库 一、GenBank数据库 二、EMBL数据库 三、DDBJ数据库 四、其他数据库 第三节 蛋白质序列数据库 一、PIR数据库 二、MIPS数据库 三、其他数据库 第四节 NCBI与EMBL-EBI 一、NCBI简介 二、EMBL-EBI简介 三、通过Entrez Gerle从NCBI获取序列信息 四、通过SRS从EBI中获取蛋白质序列信息 小结 第二章 双序列比对 第一节 引言 一、同源、相似与相同 二、相似性的定量描述 三、空格 第二节 替换记分矩阵 一、通过点矩阵对序列比较进行记分 二、DNA序列比对的替换记分矩阵 三、蛋白质序列比对的替换记分矩阵 第三节 双序列比对算法 一、全局比对的经典算法 二、局部比对的经典算法 第四节 数据库搜索 一、BLAST 二、数据库搜索实例 第五节 比对的统计学显著性 一、全局比对的统计学显著性 二、数据库搜索的统计学显著性 第六节 参数的选择 一、空格罚分参数 二、BLAST的参数 三、如何处理太多与太少的数据库搜索返回 小结

第三章 多序列比对 第四章 序列特征分析 第五章 分子进化分析 第六章 表达序列分析 第七章 基因芯片数据分析 第二篇 功能基因组信息学 第八章 基因注释与功能分类 第九章 蛋白质分析与蛋白质组学 第十章 蛋白质结构分析 第十一章 转录调控的信息学分析 第十二章 生物分子网络 第十三章 计算表观遗传学 第三篇 生物信息学与人类复杂疾病 第十四章 人类复杂疾病与计算机系统生物学 第十五章 单核苷酸多态与人类疾病 第十六章 miRNA与复杂疾病中英文对照索引 英中文对照索引 附录 药物生物信息学

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>