

图书基本信息

书名：<<生物序列分析，蛋白质的核酸的概率论模型>>

13位ISBN编号：9787302050971

10位ISBN编号：730205097X

出版时间：2002-01-01

出版时间：清华大学出版社

作者：R. Durbin,S. Eddy,A. Krogh,G. Mitchison

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

## 内容概要

本书共11章，涉及序列比对、马氏链和隐马氏模型、多序列比对、种系发生树、种系的概率方法、RNA结构分析等，重点是对蛋白质和核酸序列分析作了较透彻的介绍。

书籍目录

Preface  
1 Introducti  
N\_2 Pairwise alignment  
3 Markov chains and hidden Markov models  
4 Pairwise alignment using HMMs  
5 Profile HMMs for sequence families  
6 Multiple sequence alignment methods  
7 Building phylogenetic trees  
8 Probabilistic approaches to Phylogeny  
9 Transformational grammars  
10 RNA structure analysis  
11 Background on probability  
Bibliography  
Author index  
Subject index

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>