

<<基因表达序列标签>>

图书基本信息

书名：<<基因表达序列标签>>

13位ISBN编号：9787308041867

10位ISBN编号：7308041867

出版时间：2005-5

出版时间：浙江大学出版社

作者：胡松年 编

页数：236

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

<<基因表达序列标签>>

内容概要

本手册以基因表达序列标签（ Expressed Sequence Tag , EST ）的处理分析流程为主线，结合大量实例，以“跟我学”的方式较为系统地介绍了EST测序，EST数据分析平台的构建，EST的文献检索和数据库查询，EST序列的聚类组装，EST的功能分类、代谢途径及基因产物的诠释等方面所涉及的方法和常用软件。

此外，还介绍了如何利用大量的网上和专业软件来从基因和蛋白质水平分析基因及其蛋白产物的基本特性和功能。

从核苷酸水平介绍了开放阅读框寻找、基因功能预测、基因结构分析、选择性剪切分析、基因多态性位点分析、基因表达调控区域分析、序列GC含量和密码子使用偏性统计，以及酶切位点和引物设计等内容。

从氨基酸水平介绍了理化性质、结构域、二级结构、三级结构和系统进化等方面的分析。

本手册充分发挥网络优势，借助图文讲解，内容前沿新颖，为从事生物学、医学、农学、计算机科学等领域的科研及教学人员提供了一本十分有用的工具书，也是帮助读者掌握基因和EST数据分析方法的实验指导教材。

<<基因表达序列标签>>

书籍目录

第1章 基因表达序列标签 (EST) 及其应用 1.1 简介 1.2 EST的应用 1.3 EST测序分析流程
1.4参考文献第2章EST数据分析平台的构建 2.1 简介 2.2 硬件设备 2.3 Unix/Linux操作系统及其常用命令 2.4 常用EST数据分析软件的安装 2.5 参考文献第3章 EST信息检索及常用数据库
3.1 简介 3.2 文献检索 3.3 文献管理 3.4 EST数据库 3.5 参考文献第4章 EST聚类, 常见问题及解决方法 4.1 简介 4.2 EST序列聚类方法 4.3 EST聚类中常见的问题及解决方法 4.4
参考文献第5章 EST数据注释及多序列比对 5.2 序列比对 (BLAST) 5.3 InterPro 5.4 多序列比对 (Clustal W) 5.5 参考文献第6章 EST功能分类与代谢途径分析 6.1 简介 6.2 EST功能分类 6.3 EST代谢途径分析 6.4 EST对应基因产物系统分析 6.5 参考文献第7章 基因核苷酸序列分析 7.1 简介 7.2 基因开放阅读框的识别 7.3 内含子 / 外显子剪切位点识别 7.4 基因调控区域分析 7.5 密码子使用偏性分析 7.6 限制性核酸内切酶位点分析 7.7 核苷酸序列综合分析软件 7.8 参考文献第8章 蛋白质序列分析 8.1 简介 8.2 蛋白质理化性质分析 8.3 蛋白质二级结构预测 8.4 蛋白质结构域 8.5 蛋白质三维结构预测 8.6 分子系统发育分析 8.7 参考文献索引

<<基因表达序列标签>>

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>