

图书基本信息

书名：<<生物信息学中的智能计算理论与方法研究>>

13位ISBN编号：9787312020209

10位ISBN编号：7312020208

出版时间：2006-11

出版时间：中国科学技术大学出版社

作者：黄德双等主编

页数：229

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

内容概要

本书编选了2006年中国科学院“智能计算与生物信息学”学术研讨会的40篇论文，内容涉及智能计算与生物信息学各主要领域，包括蛋白质结构与相互作用、基因测定与算法设计、序列分析与结构比对、生物数据库的开发、管理与搜索策略、智能计算在生物信息学领域的应用研究及其他等。

本书反映了近几年国内和国外智能计算与生物信息学领域的部分最新研究成果，基本代表了目前智能计算与生物信息学技术的发展状况，具有较高的学术价值。

本书适合相关领域的科技人员和大专院校师生参考。

书籍目录

第一部分 蛋白质结构与相互作用 Structural Modelling of the Saccharomyces Cervisivave and Candida Ibcans PEPCKs:Models for the Antifungal Drug Design 计算机模拟短小芽孢杆菌木聚糖酶与底物本聚糖的对接
数据挖掘在蛋白质二级结构建模中的应用研究 一种基于最小自由能和协变信息预测带伪结RNA二级结构的迭代化方法 Effective Protein Folding Prediction Based on Genetic-Annealing Algorithm in Toy Model
3D Structural Motif Finding in Protein Strutures by Network Alignment RelBay:A Combined Method for Minign Literature of Protein Phosphory lation Sites Prediction of Enzyme Catalytic Residues Based on Native Bayes Classification 蛋白质折叠速率计算
第二部分 基因测定与算法设计 Mining Data of Global Gene Expression in Human Skeletal Muscle Relate to Regular Aerobic Exercise by BRB-ArrayTools 酵母基因上游中二聚体寡核苷酸转录调控位点的分析 基于基因表达谱的肿瘤分类研究进展 基于大规模DNA微阵列数据的调控亚网络的重建 基于模糊关联规则的聚类算法在基因表达数据分析中的研究 基于序列特征的戊肝病毒基因分型方法 细菌基因组水平转移基因预测 Quantitative Analysis of Gene Regulatory Networks in Response to Various Environmental Stresses 调控元件和组合元件的识别以及全基因组分布分析 Hybrid Intelligent Data Mining Techniques and Array CGH in Breast Cancer Profiling 基于基因芯片表达谱的癌症预后元分析研究 针对早期应答基因的专用检测芯片设计
第三部分 序列分析与结构比对 第四部分 生物数据库的开发、管理与搜索策略 第五部分 智能计算在生物信息学领域的应用研究 第六部分 其他

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>