

<<人类遗传连锁分析(修订版)>>

图书基本信息

书名：<<人类遗传连锁分析(修订版)>>

13位ISBN编号：9787810027229

10位ISBN编号：7810027220

出版时间：1995-09

出版时间：中国农业大学出版社

作者：欧特(美)

译者：杨达

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

<<人类遗传连锁分析(修订版)>>

内容概要

本书简介

《人类遗传连锁分析》（修订版）一书是美国哥伦比亚大学泽格·欧特（Jurg Ott）教授所著。经约翰·霍普金斯大学出版社（The Johns Hopkins University Press）同意，由北京农业大学杨达博士翻译成中文。原出版社同意中文版自首次发行日期起，四年内可在中国大陆、台湾和香港发行与销售。

全书系统地介绍了遗传连锁分析的原理与方法，内容深入浅出，引用文献资料丰富，是目前国内生物学、医学、农学、畜牧学等专业高等院校不可多得的教材。

主要读者对象是上述有关专业的科技人员、教师、研究生。

本书也可作为生命科学中其他专业人员以及大学本科学生的参考书。

<<人类遗传连锁分析(修订版)>>

书籍目录

目录

第一章 普通遗传学与细胞遗传学基础

- 1.1孟德尔遗传学
- 1.2重组与遗传连锁
- 1.3连锁群与同体
- 1.4交换与图距
- 1.5图距函数
- 1.6人类染色体

第二章 基因与遗传多态

- 2.1基因的术语与特征
- 2.2多态性程度
- 2.3血液细胞抗原
- 2.4血液蛋白
- 2.5D) NA多态性和基因组研究
- 2.6染色体形态学的变异
- 2.7人类基因组的标记基因复盖率

第三章 统计推断方法

- 3.1似然率
- 3.2最大似然率估计
- 3.3最大似然率估计的统计性质
- 3.4显著性检验
- 3.5似然率法
- 3.6区间估计
- 3.7贝叶斯定理

第四章 连锁分析方法

- 4.1连锁分析简史
- 4.28的先验与后验分布
- 4.3似然分数法
- 4.4检验连锁
- 4.5等量观察值
- 4.6简单家系类型的严格检验
- 4.7多重比较
- 4.8家系资料的似然率
- 4.9非参数方法
- 4.10若干特殊方法

第五章 家系资料的信息量

- 5.1信息量的度量
- 5.2期望似然分数
- 5.3期望信息
- 5.4交配类型
- 5.5两个等位基因的双杂交
- 5.8多于两等位基因的双杂交
- 5.7已知相双回交
- 5.8两子女未知相双回交
- 5.9多于两子女的未知相双回交

<<人类遗传连锁分析(修订版)>>

5.10发现连锁所需要的观察值数

第六章 多位点连锁分析

6.1符号与术语

6.2三点分析

6.3两子女的未知相三回交

6.4干扰

6.5多位点图距函数

6.6排列位点

8.7完全干扰下的定位

6.8其它方法方面的问题

第七章 表现率

7.1表现率的定义

7.2不完全表现率的代价

7.3估计表现率与重组率

7.4与年龄有关的表现率

7.5影响表现率的因素

7.6数量表现型

第八章 数值与计算机方法

8.1似然分数的解析法计算

8.2爱尔斯顿 - 斯图雅特法

8.3连锁分析的计算机程序

8.4连锁程序的特殊应用

8.5连锁工具程序

8.6父性计算

8.7计算机模拟方法

第九章 重组率的变异

9.1男性与女性重组率

9.2重组率与年龄

9.3不同家系类型的异质性

9.4混合家系所产生的异质性

9.5异质性的多层与混合模型

9.6混合性检验中的协变量

第十章 不一致性

10.1选择偏差

10.2分类错误

10.3表现率的定义错误

10.4异质性的错误分类

10.5系谱错误

10.6其它模型定义错误

第十一章 疾病位点的连锁分析

11.1遗传因素

11.2疾病表现型

11.3遗传模式

11.4表现型与粒子关联

11.5候选位点

11.6排除定位

11.7遗传风险

<<人类遗传连锁分析(修订版)>>

11.8非规则分离

11.9计划连锁分析

习题解答

英汉词汇对照

参考文献

<<人类遗传连锁分析(修订版)>>

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>