

<<分子生物学软件应用>>

图书基本信息

书名：<<分子生物学软件应用>>

13位ISBN编号：9787811161281

10位ISBN编号：7811161281

出版时间：2007-3

出版时间：北京大学医学出版社

作者：刘旭光

页数：276

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

<<分子生物学软件应用>>

内容概要

本书共包括四个部分。

第一部分介绍了计算机软件在核酸序列分析中的应用，主要包括序列格式转换、结构功能分析、克隆与引物设计等；第二部分介绍了计算机软件在蛋白质序列分析中的应用，主要包括理化性质分析、结构预测、三维分子显示等；第三部分介绍了计算机软件在序列比对中的应用，包括BLAST、本地BLAST、多序列两两比对与进化树分析等；第四部分介绍了计算机软件在文献管理与引用中的应用，主要包括文献管理、参考文献的引用等。

本书主要面向生物、医学专业的研究生、高年级本科生，以及相关专业的其他研究人员。

<<分子生物学软件应用>>

书籍目录

第一部分 核酸序列分析 1 序列检索与格式转换 1.1 序列检索 1.2 序列格式简介 1.3 格式转换
 2 一级结构分析 2.1 组成成分分析 2.2 重复序列 2.3 序列变换 3 克隆 3.1 酶切位点查找
 3.2 模拟电泳 3.3 电泳图像分析 3.4 质粒绘图 3.5 克隆策略与过程显示 4 引物设计
 4.1 引物设计的基本原则 4.2 引物设计与分析 4.3 高通量引物与探针设计 5 测序拼装
 5.1 测序图分析 5.2 测序拼装 6 DNA功能分析 6.1 ORF查找与翻译 6.2 Motif查找 7 RNA
 二级结构预测 7.1 RNAstructure 7.2 RNAdraw 7.3 DNASTAR 第二部分 蛋白质序列分析 1 理化
 性质分析 1.1 蛋白酶酶切特性 1.2 滴定曲线与等电点 1.3 亲水性和疏水性 1.4 电荷密度 2
 二级结构预测 2.1 DNASTAR 2.2 Vector NTI Advance 2.3 ANTHEPROT 3 其他特殊局部结构
 分析 3.1 膜蛋白的跨膜螺旋 3.2 信号肽 3.3 卷曲螺旋 3.4 抗原决定簇 4 三维分子显示
 4.1 RasMol 4.2 Vector NTI Advance 4.3 Cn3D 第三部分 序列比对及进化树 1 BLAST 1.1
 BLAST简介 1.2 BLAST、实践 1.3 BLAST、高级选项 2 本地BLAST 3 多序列之间的两两比对与
 进化树分析 3.1 ClustalX 3.2 DNASTAR 3.3 Vector NTI Advance 3.4 PLYLIP 第四部分 文献
 管理与引用 1 文献管理 1.1 Reference Manager 1.2 EndNote 1.3 NoteExpress 1.4 全文查
 找 2 在Word中引用文献 2.1 Reference Manager 2.2 EndNote 2.3 NoteExpress 附录1 软件简介
 附录2 参考文献

<<分子生物学软件应用>>

编辑推荐

《分子生物学软件应用》主要面向生物、医学专业的研究生、高年级本科生，以及相关专业的其他研究人员。

<<分子生物学软件应用>>

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>